

Étape 3 : Corrigé

	A	G	C	T	U
Ade2AlleleB	541	370	320	485	0
Ade2AlleleR	541	369	320	486	0

Séquence : Ade2AlleleB. Longueur : 1716 bases.
Ade2AlleleB
Ade2AlleleB.adn - Partie d'une molécule d'ADN (brin non transcrit) c
orrespondant à la séquence de nucléotides du gène ade2 d'une levure
Saccharomyces cerevisiae donnant des colonies blanches.
.....

Séquence : Ade2AlleleR. Longueur : 1716 bases.
Ade2AlleleR
Ade2AlleleR.adn - Partie d'une molécule d'ADN (brin non transcrit) c
orrespondant à la séquence de nucléotides du gène ade2 d'une levure
Saccharomyces cerevisiae donnant des colonies rouges.
.....

Composition en...
 nombre
 pourcentage

OK

On constate que les deux séquences possèdent la même longueur : 1716 nucléotides.

On constate deux différences dans les quantités de chaque nucléotide : 1 G en plus et 1 T en moins pour la séquence Ade2AlleleB.

On constate que l'ordre de succession des nucléotides est le même sauf en position 103 : à la place du T dans la séquence Ade2AlleleR il y a un G dans la séquence Ade2AlleleB.

```
Ade2AlleleB 1
ATGGATTCTA GAACAGTTGG TATATTAGGA GGGGACAAT TGGGACGTAT GATTGTTGAG
Ade2AlleleR
-----
```

```
Ade2AlleleB 61
GCAGCAAACA GGCTCAACAT TAAGACGGTA ATACTAGATG CTGAAAATTC TCCTGCCAAA
Ade2AlleleR
-----
T
```

```
Ade2AlleleB 121
CAAATAAGCA ACTCCAATGA CCACGTTAAT GGCTCCTTTT CCAATCCTCT TGATATCGAA
Ade2AlleleR
-----
```

```
Ade2AlleleB 181
```

Ade2AlleleA	AAACTAGCTG	AAAAATGTGA	TGTGCTAACG	ATTGAGATTG	AGCATGTTGA	TGTTCTTACA
Ade2AlleleB 241	CTAAAGAATC	TTCAAGTAAA	ACATCCCAAA	TTAAAAATTT	ACCCTTCTCC	AGAAACAATC
Ade2AlleleB 301	AGATTGATAC	AAGACAAATA	TATTCAAAAA	GAGCATTTAA	TCAAAAATGG	TATAGCAGTT
Ade2AlleleB 361	ACCCAAAGTG	TTCCTGTGGA	ACAAGCCAGT	GAGACGTCCC	TATTGAATGT	TGGAAGAGAT
Ade2AlleleB 421	TTGGGTTTTT	CATTTCGTCTT	GAAGTCGAGG	ACTTTGGCAT	ACGATGGAAG	AGGTAACTTC
Ade2AlleleB 481	GTTGTAAAGA	ATAAGGAAAT	GATTCCGGAA	GCTTTGGAAG	TACTGAAGGA	TCGTCCCTTG
Ade2AlleleB 541	TACGCCGAAA	AATGGGCACC	ATTTACTAAA	GAATTAGCAG	TCATGATTGT	GAGATCTGTT
Ade2AlleleB 601	AACGGTTTAG	TGTTTTCTTA	CCCAATTGTA	GAGACTATCC	ACAAGGACAA	TATTTGTGAC
Ade2AlleleB 661	TTATGTTATG	CGCCTGCTAG	AGTTCCGGAC	TCCGTTCAAC	TTAAGGCGAA	GTTGTTGGCA
Ade2AlleleB 721	GAAAATGCAA	TCAAATCTTT	TCCCGGTTGT	GGTATATTTG	GTGTGGAAAT	GTTCTATTTA
Ade2AlleleB 781	GAAACAGGGG	AATTGCTTAT	TAACGAAATT	GCCCCAAGGC	CTCACAACTC	TGGACATTAT
Ade2AlleleB 841	ACCATTGATG	CTTGCGTCAC	TTCTCAATTT	GAAGCTCATT	TCAGATCAAT	ATTGGATTTG
Ade2AlleleB 901	CCAATGCCAA	AGAATTTTAC	ATCTTTCTCC	ACCATTACAA	CGAACGCCAT	TATGCTAAAT
Ade2AlleleB 961	GTTCTTGAG	ACAAACATAC	AAAAGATAAA	GAGCTAGAAA	CTTGCGAAAG	AGCATTGGCG

Ade2AlleleB 1021
ACTCCAGGTT CCTCAGTGTA CTTATATGGA AAAGAGTCTA GACCTAACAG AAAAGTAGGT
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1081
CACATAAATA TTATTGCCTC CAGTATGGCG GAATGTGAAC AAAGGCTGAA CTACATTACA
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1141
GGTAGAACTG ATATTCCAAT CAAAATCTCT GTCGCTCAAA AGTTGGACTT GGAAGCAATG
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1201
GTCAAACCAT TGGTTGGAAT CATCATGGGA TCAGACTCTG ACTTGCCGGT AATGTCTGCC
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1261
GCATGTGCGG TTTTAAAAGA TTTTGGCGTT CCATTTGAAG TGACAATAGT CTCTGCTCAT
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1321
AGAACTCCAC ATAGGATGTC AGCATATGCT ATTTCCGCAA GCAAGCGTGG AATTAAAACA
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1381
ATTATCGCTG GAGCTGGTGG GGCTGCTCAC TTGCCAGGTA TGGTGGCTGC AATGACACCA
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1441
CTTCCTGTCA TCGGTGTGCC CGTAAAAGGT TCTTGTCTAG ATGGAGTAGA TTCTTTACAT
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1501
TCAATTGTGC AAATGCCTAG AGGTGTTCCA GTAGCTACCG TCGCTATTAA TAATAGTACG
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1561
AACGCTGCGC TGTTGGCTGT CAGACTGCTT GGCCTTATG ATTCAAGTTA TACAACGAAA
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1621
ATGGAACAGT TTTTATTTAA GCAAGAAGAA GAAGTTCTTG TCAAAGCACA AAAGTTAGAA
Ade2AlleleR

Ade2AlleleB 1681 ACTGTCGGTT ACGAAGCTTA TCTAGAAAAC AAGTAA
Ade2AlleleR -----

<http://ert.sapiens-jinh.olanehoster.org/svt/>